

Figure 1.

1 GTCTAAGAACCTTAAGGAGAAAGAGATTAAGAGGCAGACATTGCTTGAGCTTGTTGATTA
61 TGTTGCATCAGTTGGTTTTAAGTTTAAACGATGTTTCGATGCAAGAGTTAACGAAGATGGT
121 AGCGGTAAATCTGTTTAGAACTTTTCTTCTGCGAATCACGAGAGTAAAATTCTTGAAAT
181 ACATGATATGGATGATGAAGAACCTTCTTTGGAGCCAGCTTGGCCTCATGTTCAAGTTGT
241 GTATGAGATTCTTCTCAGATTCGTGGCTTCTCCCATGACTGATGCAAAGCTTGCCAAGAG
301 ATATATTGACCATTCTTTTGTCTTGAAGCTCTTAGACTTGTTTGATTCTGAAGATCAAAG
361 AGAGAGGGAATATCTAAAACTATTCTGCATCGGGTGTACGGGAAGTTCATGGTGCATCG
421 ACCTTACATCAGAAAGGCGATAAACAATATCTTCTACAGATTCATATCCGAGACTGAAAA
481 GCATAATGGCATTGCGGAGTTGCTAGAGATTCTTGAAGTATAATTAATGGTTTTGCTTT
541 GCCTTTAAAAGAAGAGCACAAAGCTCTTCTTTTGCAGCCTTGATTCTCTCCACAAGCC
601 TAAATGTTTCATCAGTCTATCACCAACAGCTTTCGTATTGCATTGTTTCAGTTTGTAGAAAA
661 GGACTTCAAGCTCGCTGATACCGTTATTAGAGGTCTTTTAAAATATTGGCCTGTGACTAA
721 CAGCTCAAAGGAAGTTATGTTTCTTGGAGAGTTAGAAGAAGTCTTGAAGCAACTCAAGC
781 CGCTGAGTTTCAACGTTGTATGGTTCCATTATCCCGACAAATTGCTCGATGCCTCAACAG
841 TTCACATTTCCAGGTTTCGAGTCTTTGACTATCATCACAACCTTCATATCTATCTCTCTGA
901 TAAAGTCTTGTACCTATATATGAAGTTGTACTTTTTGTTTGTTCAGGTTGCTGAAAGAGCA
961 TTGTTTCTATGGAACAACGATCACATAAGAAACCTGATCACTCAGAACCATAAAGTGATA
1021 ATGCCTATAGTCTTCCCAGCTCTTGAGAGAAACACGCGTGGACATTGGAACCAAGCAGTT
1081 CAAAGTCTGACTATAAACGTGAGGAAAGTATTATGCGAGATTGACCAAGTTCTTTTCGAC
1141 GAGTGTTTAGCCAAATTCCAAGTAGAAGAAGTGAATAAAACAGAGGTTAAAGCGAAACGG
1201 GAAAGGACATGGCAACGGTTAGAAGATTTAGCTACTTCAAAGACCGTTGTAACCAACGAG
1261 GCAGTACTGGTTCCAAGATTTGTGTCTCAGTCAATCTTACTACAAGCAGCTCTGAGTCC
1321 ACAGGGTTCGTAGTAGGCTCTCGTAGGTTACTATGTACTTGTAACAAATATTTGTGGTCAC
1381 TATAGAAATGGTTCTTGAGAGACGACTGTATAATTATTTTTTTAAATTATAATCTTTTGG
1441 GTCAAATTGAGAATATTTGATATTATTTTACTGAATTATAATAAACGCCGTTAAACTCT
1501 CGTTAGTTAACGGCTGACTCTGAAGTGAAAAGTGAAGGCTCTCTTTATATTT
1561 TCAGAATCAAAATCTGAAATTTATCTCTCGGTGATCCAGTCTTCGTGAGTGACTTCGAC
1621 GACGACGACGAGTCACACTACTCTTGAGCTTCTCATACTTCGTAAGTTCACTCTCTCTT
1681 CTCTAAATTGACAACTTTTTCTTCGTTTTCTGCTATTATTGACGACGAGACTTGATTTT

Replacement Sheet

1741 GTTTTGAAATGAAATGGTTCAAGTAGCTGACTTCGACTATGTTCTTTTGGGTTTTTGTCA
1801 TTGAATCTTACTTGTCTGATTTGGTCGATGTTTAATCAATTCAACACTTAAAGATTCAAT
1861 TTTTGGATTGACACTTGCACATTTTTTATTTCAGACCCAGGTTGATTGGGAAATAATGGAT
M D 2
1921 GAATCTCTGGAGCATCAAACCTCAAACACATGGTAAGTAAATTTTCATAGATTTAATCTCT
E S L E H Q T Q T H D 13
1981 CTGAATACATATATATGACTTCAATATGTTTGATTGGAGTTTTTTTTGTTGTCCCATATTC
2041 AATTGGATGCTTTGTAAAGGATAAATGTCTATCAAATTATGTTGACTGCGTTATTCTTT
2101 CTAAATCATATTGTGAATCTTGGAAACAAAGCATGTATACAACAAATTTGTTAGACTTAAT
2161 AACTCCTTTTCTGTTTGTAAAGAATTGAGAATGACTATTGGGGTTGACTAATGCATCTTT
2221 TGTGGCTCCAGACCAAGAGAGCGAAATAGTTACTGAAGGAAGTGCCGTTGTGCATAGTGA
Q E S E I V T E G S A V V H S E 29
2281 GCCATCTCAAGAGGGTAATGTTCTCTCTAAAGTTGATAGTGAAGCTGAGGTCTTGGATGA
P S Q E G N V P P K V D S E A E V L D E 49
2341 GAAAGTCAGTAAGCAGATTATAAAGGAAGGTCACGGTTCCAAACCATCCAAGTACTCTAC
K V S K Q I I K E G H G S K P S K Y S T 69
2401 ATGCTTTTGTAAAGTACCCTTTAGCTTTCTGTTGATTGGATGTTGATTTTTCGATTGCACT
C F L 72
2461 TGTTGGCCTATTGCTACTGTTTATTTGAATCTTCTATCTGACCAATTTTCATATTGGCCA
2521 TAGTGCACTACAGGGCATGGACCAAAAACCTCGCAGCACAAATTTGAGGATACATGGCATG
H Y R A W T K N S Q H K F E D T W H E 91
2581 AGCAGCAACCTATTGAATTGGTTCTTGGAAAAGGTATGTGGCTGTGCAATATGTACTCTA
Q Q P I E L V L G K E 102
2641 CACCTCCATTTTCGTTAGATGAATCGTCATTGGTAAATTTGATGAGTTAGCTTGTGTATTA
2701 TATGAACCCAATGAGATGGATATTTGGGAGGAAAAAAGATTGAGTTTTGTATTTTTTTTG
2761 CTTCAATGCTGATTAGCCCATTTTAACGTCACTATACAATTTTTTTTATAAAAAAGATTG
2821 TGCACTAAGAGTGAAATGTTGTCTGTGAGACAGAGAAAAAAGAACTAGCCGGTTTAGCCA
K K E L A G L A I 111
2881 TCGGTGTTGCTAGCATGAAGTCTGGTGAACGTGCGCTTGTGCATGTTGGCTGGGAATTAG
G V A S M K S G E R A L V H V G W E L A 131
2941 CTTATGGGAAAGAAGGAAACTTTTTCTTTTCCCAATGTTCCACCTATGGCAGACTTGTTAT
Y G K E G N F S F P N V P P M A D L L Y 151
3001 ATGAGGTGGAAGTTATTGGGTTTGTATGAAACAAAGGAGGTAAGTTATTTTCCTATACCATC
E V E V I G F D E T K E 163

Replacement Sheet

3061 ATCTTGTTTCCTTACCAAGACGACTCCACATCCAAGCTTTATCCCAACCTCCTTGCTTAC
3121 CTCTCTGACTTAGATGATGTATTGAACAGGGAAAAGCTCGCAGTGATATGACTGTAGAGG
G K A R S D M T V E E 174
3181 AAAGGATTGGTGCAGCAGACAGAAGAAAAATGGATGGGAATTCTCTTTTTAAGGAGGAGA
R I G A A D R R K M D G N S L F K E E K 194
3241 AACTGGAGGAAGCCATGCAACAGTATGAAATGGTTATGCATCTCTCTCTATCTCTATCTC
L E E A M Q Q Y E M 204
3301 TCTTTCCAACAATTACGGTCAAAGTTTAGGTTTTTCAGGCATACTTAGTGAGTCTGCTCGA
3361 GGCTCTTGCTCTTCTTTTCGGCTTTTGATTAGTCATGGTTTTGCTGTTTCAGGCCATAGC
A I Y 207
3421 ATACATGGGGGACGATTTTATGTTTCAGCTGTATGGGAAGTACCAGGATATGGCTTTAGC
Y M G D D F M F Q L Y G K Y Q D M A L A 227
3481 AGTTAAAAACCCATGCCATCTTAACATAGCAGCTTGCCTCATCAAACATAAACGATACGA
V K N P C H L N I A A C L I K L K R Y D 247
3541 TGAAGCAATTGGTCACTGCAACATTGTAAGACTCATCAAACCATTTCATTTGAAGAAAATC
E A I G H C N I 255
3601 ATTAAGTTTCATACTCGGTTTCTCGAAATCTAATCAAACCTCAAACCTTATCAGGTGTTG
V L 257
3661 ACAGAAGAAGAGAAAAACCCAAAAGCACTGTTTCAGAAGAGGGAAAGCAAAGGCAGAGCTA
T E E E K N P K A L F R R G K A K A E L 277
3721 GGACAGATGGACTCAGCACGTGATGATTTCCGAAAGGCACAAAAGTATGCTCCTGACGAC
G Q M D S A R D D F R K A Q K Y A P D D 297
3781 AAGGCGATTAGAAGAGAGCTACGAGCACTTGCAGAGCAAGAGAAAAGCCTTGTACCAAAAG
K A I R R E L R A L A E Q E K A L Y Q K 317
3841 CAGAAAGAAATGTACAAAGGAATATTCAAAGGGAAAGATGAAGGTGGTGCTAAGTCAAAG
Q K E M Y K G I F K G K D E G G A K S K 337
3901 AGCCTTTTTTGGTTGATAGTGTTATGGCAATGGTTTGTTTCCCTTTTCTCCCGTATCTTT
S L F W L I V L W Q W F V S L F S R I F 357
3961 CGACGCCACAGAGTTAAAGCAGATTAATGTATGAAGAAGGGTTACAATTA
R R H R V K A D * 365
351 SLFSRIFRRH RVKAD

Replacement Sheet

Figure 2.

TTP	1	MAEVEEEQQLQNSSVDQGSTDEIIAEGASVVRGELPQDDAGPPKVDSEVE	50
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	1	...MDESLEHQTQTHDQES..EIVTEGSAVVHSEPSQEGNVPPKVDSEAE	45
TTP	51	VLHEKVTKQIVKEGHGQKPSKYATCFVHYRAWAESTQHKFEDTWREOQPL	100
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	46	VLDEKVSQKQIIEGHGSKPSKYSTCFLHYRAWTKNSQHKFEDTWHEOQPI	95
TTP	101	ELVIGKERKEMTGLAIGVNSMKSGERALFHVGWELAYGKEGNFSFPNVPP	150
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	96	ELVLGKEKKELAGLAIGVASMKSGERALVHVGWELAYGKEGNFSFPNVPP	145
TTP	151	TADVLYEVELIGFDETGEKGARGDMTVEERIGTADRRKMDGNALFKEEKL	200
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	146	MADLLYEVEVIGFDETKEGKARSMTVEERIGAADRRKMDGNSLFKEEKL	195
TTP	201	EEAMQOQYEMAIAYMGDDFMFQLFQKFRDMALAVKNPCHLNMAACLLKLQR	250
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	196	EEAMQOQYEMAIAYMGDDFMFQLYGKYQDMALRVKNPCHLNIAACLIKLKR	245
TTP	251	YDEAIAQCSIVLAEENNVKALFRRGKARSILGOTDAAREDFLKARKLAP	300
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	246	YDEAIGHCNIIVLTEEEKNPALFRRGKAKAELGQMDSARDDFRKAQKYAP	295
TTP	301	QDKAITREINLIAEHEKAVY.....	320
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	296	DDKAIRRELRLALAEQEKALYQKQKEMYKGIFKGKDEGGAKSKSLFWLIVL	345

Figure 3.

ZmTWD	1	EEAMQOQYEMAIAYMGDDFMFQLFQKGYRDMALAVKNPCHLNMAACLIKLKR	50
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	196	EEAMQOQYEMAIAYMGDDFMFQLYGKYQDMALRVKNPCHLNIAACLIKLKR	245
ZmTWD	51	FDEAIAQCSIVLTEDESNVKALFRRGKAKSELGQTESAREDFLKAKKYS	100
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	246	YDEAIGHCNIIVLTEEEKNPALFRRGKAKAELGQMDSARDDFRKAQKYAP	295
ZmTWD	101	EXKEIIRELRLALAEQXKALYQKQKELYKGLFGPSPE..AKPKKAKYLVVF	148
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	296	DDKAIRRELRLALAEQEKALYQKQKEMYKGIFKGKDEGGAKSKSLFWLIVL	345
ZmTWD	149	WQWLVSFILYLAGMFKRKNE	168
		: : : : : : : : : : : :	
TWD	346	WQWFSLSRIFRRHRVKAD	365